



| | |
|------------------|---|
| Title | ペプチドスクニング法とin situスクリーニング法の併用によるポリミキシンBの活性改変 [全文の要約] |
| Author(s) | 家口, 凜太郎 |
| Citation | 北海道大学. 博士(薬科学) 甲第15311号 |
| Issue Date | 2023-03-23 |
| Doc URL | http://hdl.handle.net/2115/89504 |
| Type | theses (doctoral - abstract of entire text) |
| Note | この博士論文全文の閲覧方法については、以下のサイトをご参照ください。 |
| Note(URL) | https://www.lib.hokudai.ac.jp/dissertations/copy-guides/ |
| File Information | Rintaro_Kaguchi_summary.pdf |



[Instructions for use](#)

学位論文の要約

博士の専攻分野の名称 博士 (薬科学)

氏名 家口 凜太郎

学位論文題名

ペプチドスクランニング法と *in situ* スクリーニング法の併用による
ポリミキシン B の活性改変

ペプチドは、低分子医薬品よりも分子表面積が大きく官能基も豊富に有することから、低分子医薬品ではアクセス困難な標的とも相互作用することができる。これを構成する一部のアミノ酸残基に対し、適切な置換基を導入すると、高活性誘導体やケミカルツールを創製することができる。このような置換基の導入位置を系統的に探索する手法として、ペプチドスクランニング法が知られている。例えばアラニンスクランニングでは、ペプチドの各アミノ酸残基をアラニンに置換することで、標的分子との相互作用に関与していないアミノ酸側鎖を同定できる。この結果を踏まえて誘導体を合成するにあたっては、スクランニングで使用したアラニン置換体のメチル基の部分に、直接置換基を導入するのが理想である。しかしながら、メチル基は化学的に不活性であるため、適切な置換基が導入された誘導体を一から合成し直す必要があるのが現状である。そこで本研究では、スクランニングに使用する誘導体を、スクランニングだけでなく、更なる誘導展開の起点として用いるという着想から、以下に述べるペプチドの新規構造最適化法を立案した。まず、スレオニンを置換基として有するアミノ酸をスクランニング単位として用いることで、ペプチドの主鎖や側鎖に於ける置換基の導入許容性をスクランニングする。次に、置換基の導入が可能と判断されたスクランニング誘導体が有する、スレオニンのアミノ基に対し、セリン/スレオニンライゲーシオン (STL) による化学選択的なアシル化を行うことで、誘導体合成へと展開する。以上の二つの工程により、親ペプチドのスクランニングと、引き続き誘導体合成とをシームレスに遂行可能である。本研究ではこの創薬手法を抗菌薬ポリミキシン B に適用し、細菌感染症治療の至上命題である「ポリミキシン耐性大腸菌に有効な誘導体の創製研究」と、「狭域・広域スペクトルを示す誘導体の創製研究」の二つを遂行した。

二つの研究の実施にあたり、ポリミキシン B の各アミノ酸残基をスレオニルジアミノブタン酸に置換した誘導体と、側鎖部を短縮し、N末端にスレオニンを導入した誘導体からなる、12個のスクランニング誘導体を設計した。これらを合成すべく、ペプチド固相合成法によって鎖状保護ペプチドを得たのち、Dab⁴の側鎖のアミノ基と Thr¹⁰のカルボン酸との縮合によるマクロ環化を行った。その結果、望みの環化体は得られる一方で、Thr¹⁰の α 位でエピメリ化が進行した化合物が主生成物として得られた。同様の結果は、先に設計した12個の誘導体のうち、11個の合成で認められた。そこで、反応条件のハイスループットスクリーニングにより、各スクランニング誘導体の環化条件を一挙に検討した。12個の環化前駆体をそれぞれ8つの反応条件に附すことで、計96個の反応条件を一挙に検討したところ、各スクランニング誘導体の環化に最適な条件が見出された。それらを用いたところ、12個の誘導体を首尾よく得ることができた。

得られたスクランニング誘導体を用いて、「ポリミキシン耐性大腸菌に有効な誘導体の創製研究」を実施した。はじめに、ポリミキシン耐性大腸菌に対する、ポリミキシン B のスクランニングを行ったところ、Dab¹、Thr²、Dab³、Dab⁸、Dab⁹、Thr¹⁰をスレオニルジアミノブタン酸に置換した6つの誘導体が、ポリミキシン B よりも8倍以上弱いながらも抗菌活性を示した。そこで、このうち3つのスクランニング誘導体から誘導展開を行うことで、活性化合物を探索することとした。また、Dab⁵、D-Phe⁶、Leu⁷をスレオニルジアミノブタン酸に置換した3つの誘導体が、評価濃度内で抗菌活性を示さなかったことを踏まえ、対照実験としてこれらからも同様に誘導展開を行うこととした。次に、極小 (200 nmol) スケールでの STL を検討したところ、二つの原料 [アミノアル

コールを持つスキヤニング誘導体とサリチルアルデヒド (SAL) エステル] を混合するのみで、スレオニンのアミノ基に選択的にアシル化が進行した化合物が収率 70%で得られた。スキヤニング誘導体が有する複数のアミノ基は本反応に干渉せず、副生成物も与えなかった。以上のことから、誘導体合成に *in situ* スクリーニング法を併用することを着想した。これは、反応成績体を精製せず、直接活性評価に供するものである。そこで、54 個の SAL エステルを合成し、前述の 6 つのスキヤニング誘導体に対する STL に供した。得られた 324 個の誘導体のうち 238 個 (73.5%) は、50%以上の UV 純度を有していた。次にこれらを、ポリミキシン耐性大腸菌に対する抗菌活性のスクリーニングに供したところ、前述のスキヤニングで活性を示した 3 つのスキヤニング誘導体から、ポリミキシン B と同濃度で抗菌活性を示す誘導体が十数個見出された。一方で、スキヤニングで活性を示さなかった 3 つのスキヤニング誘導体からは、同濃度で有効な誘導体は 2 つしか得られなかったことから、前述のスキヤニングが期待通りに機能していることがわかった。更に、スクリーニングのヒット化合物の純品を合成・評価したところ、ポリミキシン耐性大腸菌に対し、天然物ポリミキシン B と同等以上の抗菌活性を示すことがわかった。分子動力学シミュレーションの結果から、この活性誘導体が結合標的である膜脂質リピド A に結合する前後で、開いた配座と閉じた配座をとることが、抗菌活性に有益に寄与していることが示唆された。

次に、「狭域・広域スペクトルを示す誘導体の創製研究」を実施した。先に述べた 12 個のスキヤニング誘導体について、ESKAPE 病原体 9 菌種に対する抗菌活性を評価したところ、緑膿菌にのみ抗菌活性を示し、その他 8 つの細菌には評価濃度内で抗菌活性を示さないスキヤニング誘導体が見出された。そこで、このスキヤニング誘導体に対して STL による誘導展開を行ったのち、抗菌活性のスクリーニングに供したところ、緑膿菌に選択的な抗菌活性を示す誘導体が見出された。また、同様にスキヤニングと誘導展開を行うことで、ポリミキシン B が抗菌活性を示さないグラム陽性菌や、ポリミキシン耐性大腸菌に対しても抗菌活性を示す、広域スペクトル誘導体が見出された。

最後に、スレオニルジアミノブタン酸を用いたスキヤニングの性質を考察した。アラニンスキヤニングとの比較から、スキヤニングに際してアミノ酸側鎖に嵩高い置換基を導入するか、側鎖を欠損させるかという違いが、両者の結果に差異を与えることが示唆された。この差異を念頭に、アラニンスキヤニングでは“必須”と判断されたアミノ酸残基に置換基の導入を行ったところ、抗菌活性を示す誘導体を獲得するに至った。このことから、スレオニルジアミノブタン酸を用いたスキヤニングでは、嵩高い置換基や極性置換基の導入可否を検討できるものと考えられる。

以上、本研究では、スレオニンを有するスキヤニング誘導体を用いた、ペプチドの新規構造最適化法を開発した。これは、スキヤニングによって嵩高い置換基や極性置換基の導入位置を決定したのち、スキヤニング誘導体から直接誘導展開を行うことで、活性化化合物を探索するものである。また、誘導展開に *in situ* スクリーニング法を併用することで、最適な置換基を迅速に決定することが可能である。本手法は、ペプチド配列のスキヤニングと構造最適化のための一般的な手法として、広く応用できるものと考えられる。