



HOKKAIDO UNIVERSITY

Title	BET阻害がDNA修復機構に与える影響及びBET阻害薬を用いた新たな非小細胞肺癌治療の開発に関する検討 [全文の要約]
Author(s)	高島, 雄太
Description	この博士論文全文の閲覧方法については、以下のサイトをご参照ください。 配架番号：2464 他
Degree Grantor	北海道大学
Degree Name	博士(医学)
Dissertation Number	甲第13450号
Issue Date	2019-03-25
Doc URL	https://hdl.handle.net/2115/74763
Type	doctoral thesis
File Information	Yuta_Takashima_summary.pdf



学 位 論 文 (要約)

BET 阻害が DNA 修復機構に与える影響及び BET 阻害薬を

用いた新たな非小細胞肺癌治療の開発に関する検討

(The study of the impact of BET inhibition on DNA damage

repair and a new treatment strategy using BET inhibitors

for non-small cell lung cancer)

2019 年 3 月

北 海 道 大 学

高 島 雄 太

学 位 論 文 (要約)

BET 阻害が DNA 修復機構に与える影響及び BET 阻害薬を

用いた新たな非小細胞肺癌治療の開発に関する検討

(The study of the impact of BET inhibition on DNA damage

repair and a new treatment strategy using BET inhibitors

for non-small cell lung cancer)

2019 年 3 月

北 海 道 大 学

高 島 雄 太

【背景】 分子生物学の進歩により、がんの発症や増殖には遺伝子自体の異常に加え、DNA のメチル化やヒストン修飾といったエピジェネティックな異常が関与していることが明らかとなった。近年、エピジェネティクスを標的とした治療の開発が非小細胞肺癌を含めた様々な癌種に対して精力的に行われている。

ブロモドメインはヒストンのアセチル基を認識し、RNA ポリメラーゼを活性化することで、様々な遺伝子の転写を促進させるエピジェネティック調節因子の一つである。ブロモドメインの繰り返し配列および特異的末端配列を持つ BET (bromodomain and extraterminal domain) ファミリータンパクの阻害薬はアセチル化ヒストンと結合し、様々な遺伝子の転写を抑制して多くの癌腫に対して抗腫瘍効果を示すことが報告されている。BET 阻害薬の抗腫瘍効果は *c-MYC* 癌遺伝子の転写抑制と関連することがこれまで多く報告されているが、*c-MYC* 癌遺伝子には非依存的であるとする報告もあり、その作用機序はいまだ不明な点が多い。近年、重篤な DNA 損傷である DNA2 本鎖切断 (double-strand break: DSB) の修復に BET タンパクが関与しており、BET 阻害薬が DNA 修復を障害して抗腫瘍効果を示すことが報告された。

WEE1 キナーゼは G2/M チェックポイントで重要な役割を担っており、細胞周期を G2 期に留まらせる働きをもつ。WEE1 阻害薬である AZD1775 は強制的に細胞周期を進めることで DSB を起こし、分裂期細胞死 (mitotic catastrophe) を誘導することで肺癌を含めた様々な固形癌に対して抗腫瘍効果を示すことが報告されている。固形癌に対する AZD1775 単剤投与の第 I 相臨床試験では複数の奏効例が認められ、乳癌感受性遺伝子 (breast cancer susceptibility gene: *BRCA*) に変異を有する症例での奏効が報告された。*BRCA* は DNA 修復に関わる因子であることから、DNA 修復機構の破綻が AZD1775 の効果に影響を及ぼす可能性が考えられた。そこで我々は、BET 阻害薬は WEE1 阻害薬がもたらす DNA 損傷を増強することで抗腫瘍効果を高めることができ、この 2 剤併用療法は非小細胞肺癌に対する新たな治療方法となりうるのではないかと考え、非小細胞肺癌細胞を用いて併用効果の確認とその機序の解明を行った。

【材料と方法】 非小細胞肺癌細胞 A549、H1299、H1975 を使用した。BET 阻害薬として JQ1 と AZD5153 を、WEE1 阻害薬として AZD1775 を使用した。BET 阻害薬と WEE1 阻害薬の併用効果は MTT 法を行い、併用係数 (combination index: CI) を算出して評価した。DSB の評価は抗 γ H2AX 抗体を用いたウエスタンブロット法で行なった。DSB 修復や細胞周期に関与する遺伝子の発現は定量的逆転写 PCR (quantitative reverse transcription PCR: qRT-PCR) 法とウエスタンブロット法で評価した。DNA 損傷修復能の評価として非同末端結合 (non-homologous end joining: NHEJ) 活性の定量を、NHEJ レポータープラスミド安定発現細胞とフローサイトメトリー法を用いて行った。細胞周期の評価はプロピジウムイオダイド (Propidium Iodide: PI) 染色を用いたフローサイトメトリー法と抗リン酸化ヒストン H3 (phospho-histone H3: pHH3) 抗体を

用いたウェスタンブロット法で行ない、アポトーシスの評価はアネキシン V と PI の二重染色を用いたフローサイトメトリー法で行なった。また、A549 細胞を用いて異種移植マウスモデルを作成し、BET 阻害薬と WEE1 阻害薬の併用効果を *in vivo* の系で検討した。

【結果】 使用した全ての非小細胞肺癌細胞において CI は 0.1 から 0.5 の間で推移し、BET 阻害薬と WEE1 阻害薬は相乗的な抗腫瘍効果を示した。また、2 剤を併用することでアポトーシスが誘導された。

2 剤の併用は γ H2AX のタンパク発現を増加した。また、WEE1 阻害薬によって生じた γ H2AX のタンパク発現は BET 阻害薬を追加投与することで遷延した。以上より BET 阻害薬は DSB の修復遅延を起こすことが明らかとなった。

BET 阻害薬の投与により *SHLD1*、*SHLD3*、*XRCC4*、*SASS6*、*TP53BP1* といった NHEJ 機構関連遺伝子の発現が低下した。また、BET 阻害薬の投与や BRD4 のノックダウンによって NHEJ 修復活性が低下した。以上より BET 阻害は NHEJ 機構関連遺伝子の発現を抑制し、NHEJ 機構による DSB 修復能を低下させることが明らかとなった。

フローサイトメトリー法を用いた細胞周期の検討では、2 剤の併用により G2/M 期の増加がみられ、またウェスタンブロット法では pHH3 のタンパク発現亢進がみられたことから、M 期への移行が増加していることが明らかになった。G2/M チェックポイント機構関連遺伝子の発現を評価したところ、BET 阻害薬の投与でミエリン転写因子 1 (myelin transcription factor 1: MYT1) の発現が低下した。以上より BET 阻害薬は MYT1 の発現を低下させ、WEE1 阻害薬と併用することで G2/M チェックポイント機構を著明に抑制し、癌細胞の M 期への移行を増加させていることが示唆された。

A549 細胞を用いた異種移植マウスモデルに対して BET 阻害薬と WEE1 阻害薬を投与したところ、併用療法は単剤療法と比べて腫瘍増殖を有意に抑制した。また、*in vitro* の結果と同様に併用群の腫瘍では γ H2AX と pHH3 の発現が増加し、*MYT1* およびいくつかの NHEJ 機構関連遺伝子の発現が低下した。

【考察】 相乗効果の機序として (i) BET 阻害薬がもたらす NHEJ 機構関連遺伝子抑制による DSB 修復能の低下、(ii) BET 阻害薬がもたらす MYT1 抑制による G2/M チェックポイントの脆弱化、の 2 つが示唆された。

BET 阻害薬が DSB 修復を抑制することはすでに報告されているが、その機序は様々である。今回我々は BET 阻害によって NHEJ 機構関連遺伝子の発現が低下することを示した。DSB 修復の主要な機構として NHEJ と相同組換え (homologous recombination: HR) があるが、HR は S 期から G2 期でのみ選択されるのに対し、NHEJ は細胞周期を通して利用可能である。WEE1 阻害薬を投与すると G2/M チェックポイント機構が抑制されるため、DSB 修復が不十分な細胞の M 期への移行が増加することになる。M 期にある細胞に生じた DSB は M 期ではほとんど修復が起こらず、G1 期に移行した後に NHEJ によっ

て修復されると報告されており、このため BET 阻害による NHEJ 抑制が WEE1 阻害薬による M 期細胞の DNA 損傷と相乗効果を示すと考える。

G2/M チェックポイント機構を抑制する AZD1775 は、*p53* 遺伝子の欠失や変異によって G1/S チェックポイント機構が脆弱化している細胞で、より高い抗腫瘍効果を示すことが報告されている。一方で、*p53* 遺伝子の状態は AZD1775 の効果に影響を与えなかったとする報告もあり、定まった見解はない。今回行った併用療法は *p53* 遺伝子の状態が異なっても一様に相乗効果を示したことから、この併用療法は様々なタイプの癌細胞に有効である可能性がある。

さらに我々は、BET 阻害薬を投与することで MYT1 の発現が低下し、WEE1 阻害薬との併用で細胞の M 期への移行を増加させていることを示した。MYT1 の発現が低い細胞は WEE1 阻害薬に感受性が高い傾向があり、MYT1 が WEE1 阻害薬の効果予測因子となりうることが報告されている。この研究は BET タンパクが MYT1 の発現を制御していることを示した初めてのものである。

BET 阻害薬も WEE1 阻害薬も現在多くの臨床試験が行われており、固形癌に対して臨床応用が期待されている薬剤である。この 2 剤の相乗効果とその機序を示した本研究は非小細胞肺癌における新たな治療開発の一助となる可能性がある。

【結論】 BET 阻害薬と WEE1 阻害薬は非小細胞肺癌に対して相乗的な抗腫瘍効果を示した。この 2 剤の併用は非小細胞肺癌における新たな治療戦略となりうる。